**Verze I 26.4.2023**

**A:** Pro kódující sekvenci genu z datábaze NCBI označeném jako : NM\_000410.4

>NM\_000410.4:13-1059 Homo sapiens homeostatic iron regulator (HFE), transcript variant 1, mRNA

ATGGGCCCGCGAGCCAGGCCGGCGCTTCTCCTCCTGATGCTTTTGCAGACCGCGGTCCTGCAGGGGCGCT

TGCTGCGTTCACACTCTCTGCACTACCTCTTCATGGGTGCCTCAGAGCAGGACCTTGGTCTTTCCTTGTT

TGAAGCTTTGGGCTACGTGGATGACCAGCTGTTCGTGTTCTATGATCATGAGAGTCGCCGTGTGGAGCCC

CGAACTCCATGGGTTTCCAGTAGAATTTCAAGCCAGATGTGGCTGCAGCTGAGTCAGAGTCTGAAAGGGT

GGGATCACATGTTCACTGTTGACTTCTGGACTATTATGGAAAATCACAACCACAGCAAGGAGTCCCACAC

CCTGCAGGTCATCCTGGGCTGTGAAATGCAAGAAGACAACAGTACCGAGGGCTACTGGAAGTACGGGTAT

GATGGGCAGGACCACCTTGAATTCTGCCCTGACACACTGGATTGGAGAGCAGCAGAACCCAGGGCCTGGC

CCACCAAGCTGGAGTGGGAAAGGCACAAGATTCGGGCCAGGCAGAACAGGGCCTACCTGGAGAGGGACTG

CCCTGCACAGCTGCAGCAGTTGCTGGAGCTGGGGAGAGGTGTTTTGGACCAACAAGTGCCTCCTTTGGTG

AAGGTGACACATCATGTGACCTCTTCAGTGACCACTCTACGGTGTCGGGCCTTGAACTACTACCCCCAGA

ACATCACCATGAAGTGGCTGAAGGATAAGCAGCCAATGGATGCCAAGGAGTTCGAACCTAAAGACGTATT

GCCCAATGGGGATGGGACCTACCAGGGCTGGATAACCTTGGCTGTACCCCCTGGGGAAGAGCAGAGATAT

ACGTGCCAGGTGGAGCACCCAGGCCTGGATCAGCCCCTCATTGTGATCTGGGAGCCCTCACCGTCTGGCA

CCCTAGTCATTGGAGTCATCAGTGGAATTGCTGTTTTTGTCGTCATCTTGTTCATTGGAATTTTGTTCAT

AATATTAAGGAAGAGGCAGGGTTCAAGAGGAGCCATGGGGCACTACGTCTTAGCTGAACGTGAGTGA

Byly navrženy tyto primery pro kvantitativní PCR.

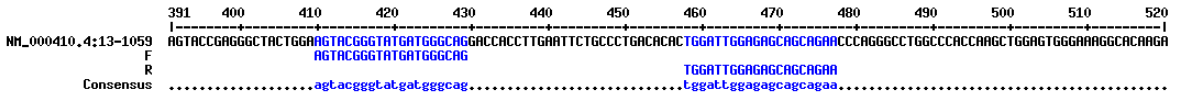
F: AGTACGGGTATGATGGGCAG

R: TTCTGCTGCTCTCCAATCCA

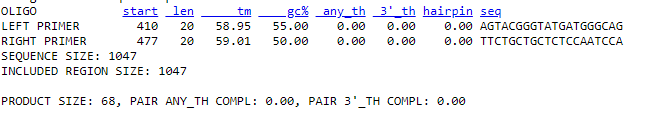
Zhodnoťte, zda jsou vhodné pro použití.

Z hlediska

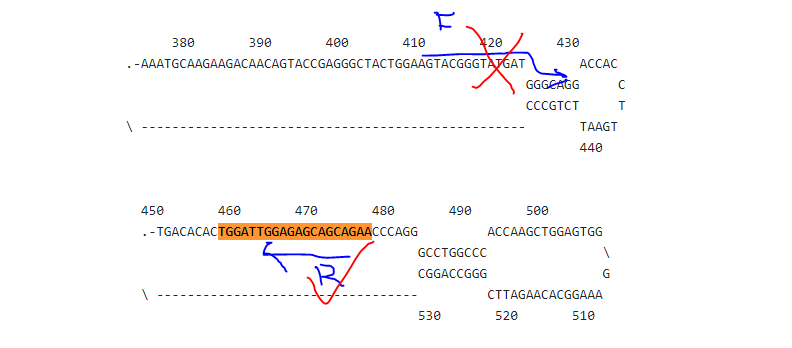
1. Použitelnosti (porovnejte jejich sekvence s CDS genu)



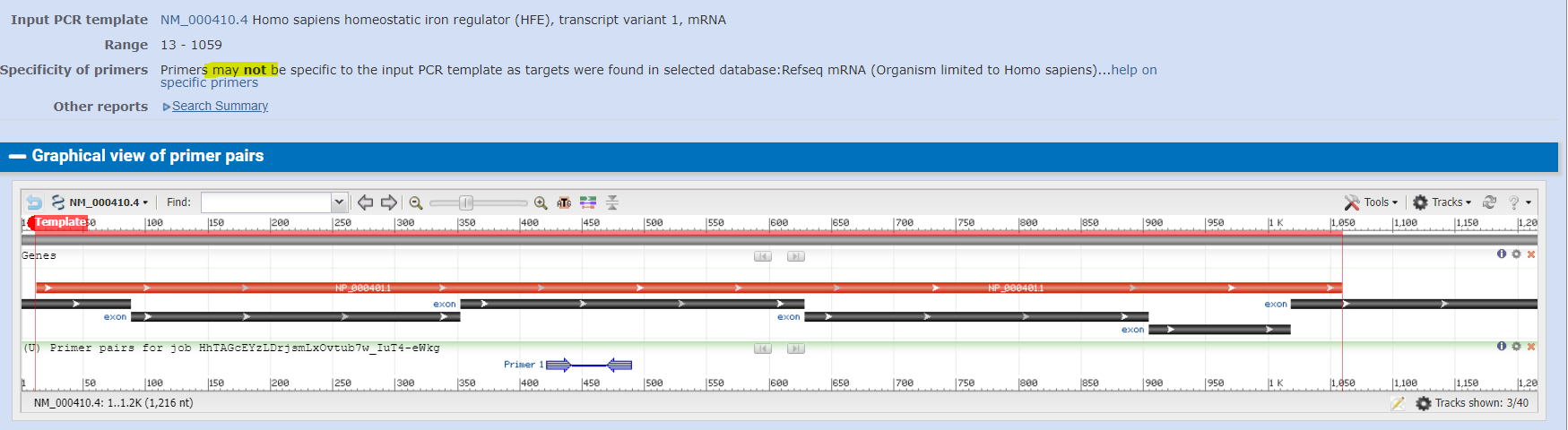
Nebo:



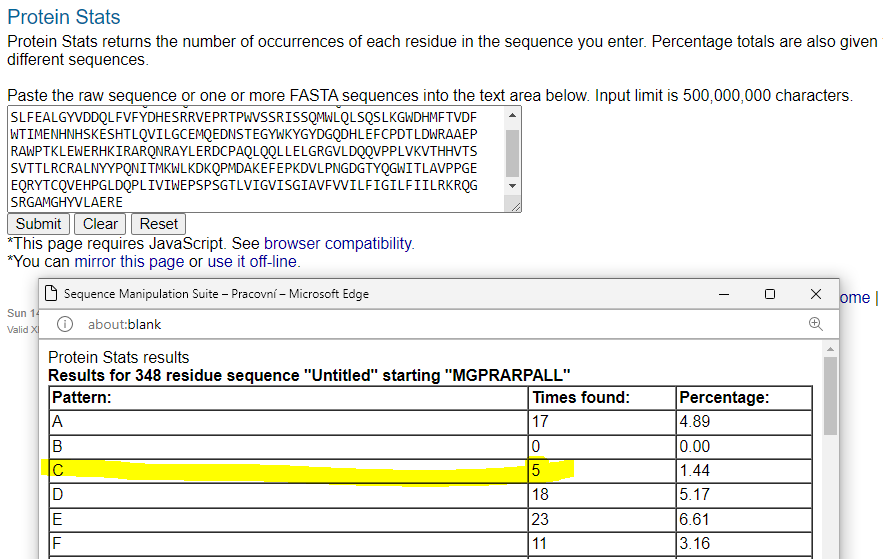
1. Přítomnosti sekundárních struktur



1. Specifity

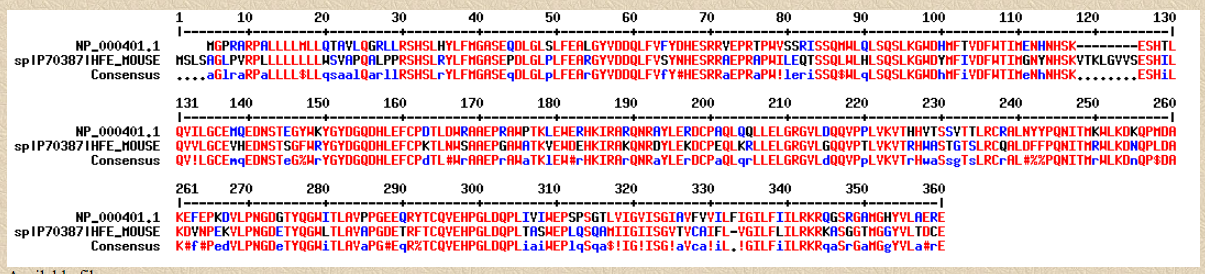


1. Kolik cysteinů obsahuje protein, který odpovídá této kódující sekvenci (NM\_000410.4) ?

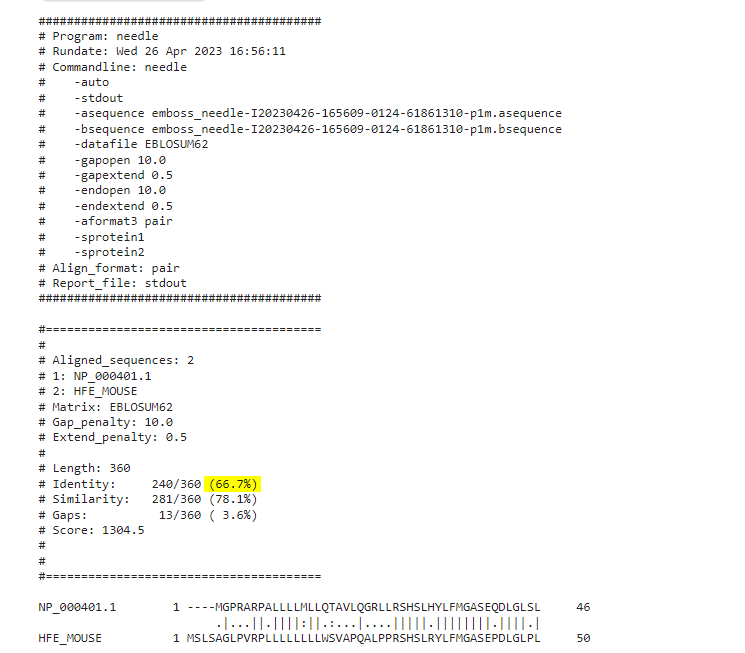


1. Porovnejte protein, který odpovídá této kódující sekvenci (NM\_000410.4) s myším analogem, vyjádřete procentuální podobnost.

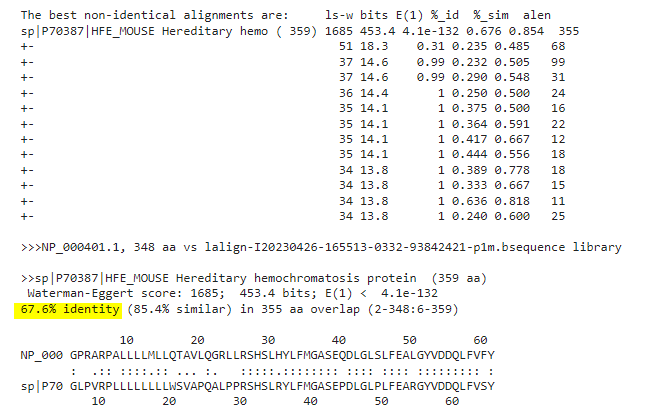
Porovnani vizuální (0,5bodu)



Globální(Needle)



Lokální (Laling):



B: Pracujte s následující sekvencí peptidu:

LALASVFWSISYYSSPFAFFYLYRKGYLSLSKVVPFSHYAGTLLLLLAGVACLRGIGRWT

NPQYRQFITILEATHRNQSSENKRQLANYNFDFRSWPVDFHWEEPSSRKESRGGPSRRGV

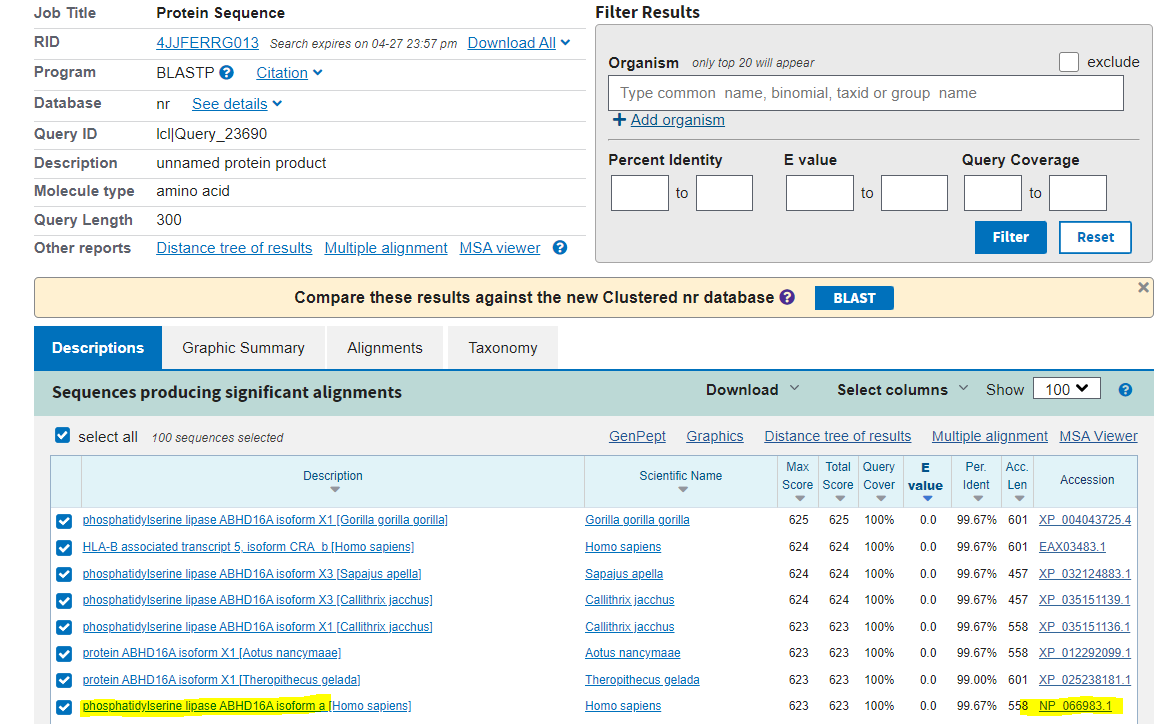
ALLRPEPLHRGTADTLLNRVKKLPCQITSYLVAHTLGRRMLYPGSVYLLQKALMPVLLQG

QARLVEECNGRRAKLLACDGNEIDTMFVDRRGTAEPQGQKLVICCEGNAGFYEVGCVSTP

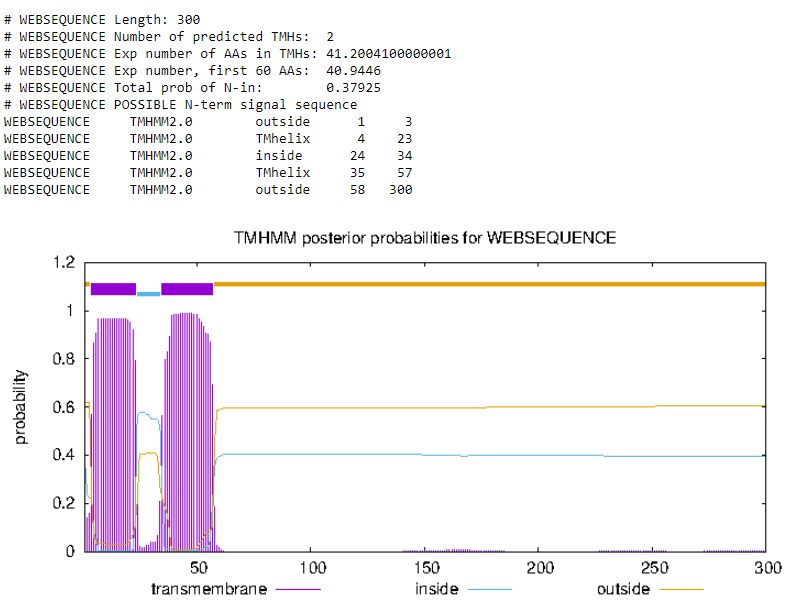
LEACYSVLGWNHPGFAGSTGVPFPQNEANAMDVVVQFAIHRLGFQPQDIIIYAWSIGGFT

* K jakému lidskému proteinu tento peptid pravděpodobně patří?

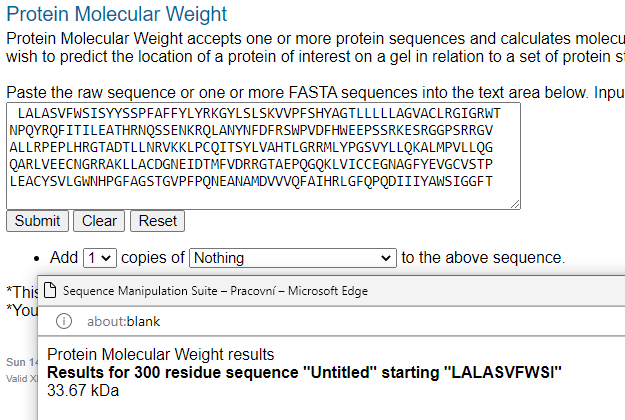
BLASTp



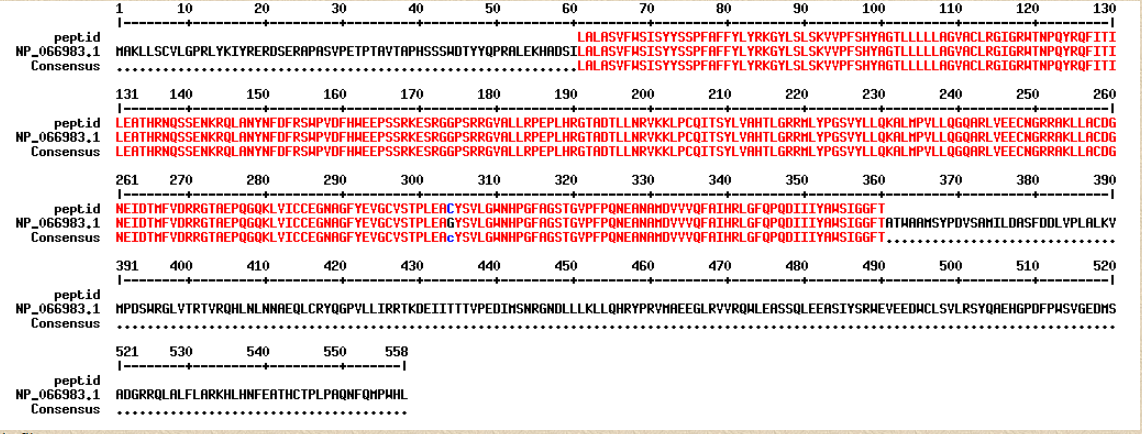
* Obsahuje peptid nějaké transmembránové úseky?



* Jaká je molekulová hmotnost tohoto peptidu?



* Jak se liší zadaná sekvence peptidu od identifikované (lidské) sekvence (v rámci shodného úseku)?

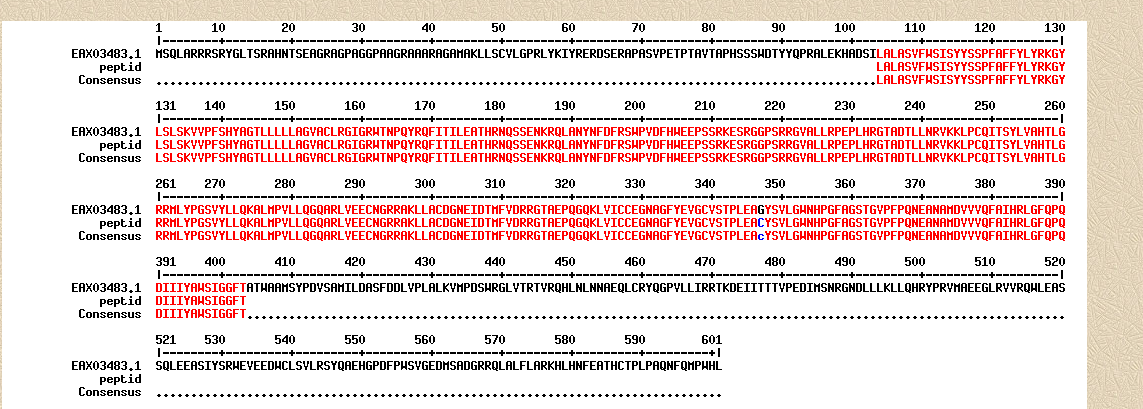


* Zapište identifikovanou mutaci v rámci celého proteinu.

G304C

(nebo opačně by to bylo C244G)

Nebo při výběru „prekurzoru“ proteinu takhle:



G347C