**Verze 17.5.2022**

1. **Pracujte se sekvencí „verze17052022“ (otevírejte v Chromasu):**
2. Ověřte, zda není kontaminována vektorem.
3. Sekvenci očistěte a čistou zapište ve fasta formátu.
4. Existuje nějaký restrikční enzym, který by očištěnou sekvenci štěpil právě dvakrát?
5. Zjistěte, co pravděpodobně kóduje a z jakého organismu pochází.
6. Existuje nějaký lidský homolog příslušného proteinu?
7. **Nalezněte sekvenci lidského genu SNCA (transkript 1)**
8. Zapište přístupový kód. Co tato sekvence kóduje?
9. Jak dlouhá je kódující oblast příslušného transkriptu a jak dlouhý bude kódovaný protein?
10. Identifikuje 20. aminokyselinu odpovídajícího proteinu.
11. Bude možné použít tento R primer pro **detekci genu**?

R\_primer: CATTGTCAGGATCCACAGGCA

1. Navrhněte k němu vhodný F primer pro **detekci genu**.